

## BIOINFORMATICIAN – QUANTITATIVE IMMUNO-HEMATOLOGY

### JOB DESCRIPTION (BRIEF DESCRIPTION OF ROLE AND LOCATION)

A bioinformatician position is available to develop, implement, and maintain computational infrastructure and analysis pipelines for live-cell imaging, barcoding, and single-cell omics data. The successful candidate will apply statistical and machine learning approaches to analyze complex biological datasets, working in close collaboration with experimental scientists to design analysis strategies and interpret results. We are particularly seeking someone who brings deep computational and modelling expertise, beyond standard bioinformatics analysis, and is deeply motivated by advancing biological knowledge.

The research will be conducted within the newly established *Quantitative Immuno-Hematopoiesis* team at Biogipuzkoa. The team investigates murine and human hematopoiesis using a combination of experimental and mathematical approaches, including lineage tracing and cell division tracking to study the differentiation of individual stem and progenitor cells. The group integrates wet-lab and computational research, providing a highly interdisciplinary environment. The candidate will work closely with experimentalists and will have the opportunity to contribute to or collaborate on wet-lab activities if relevant to the project. The position is part of the ERC POC grant VisioWell.

### DUTIES AND RESPONSIBILITIES:

- Contribute to the setup and maintenance of the laboratory's computational infrastructure, ensuring efficient data storage, processing, and reproducibility of analyses.
- Develop, implement, and maintain bioinformatics pipelines for the analysis of imaging and high-throughput sequencing data, including live cell imaging, barcoding and single-cell omics data.
- Analyze biological datasets generated both internally and through collaborations.
- Apply statistical and machine learning methods to biological datasets
- Collaborate closely with experimental scientists to interpret data, define analysis strategies, and support scientific projects.
- Ensure proper documentation, version control, and sharing of code and workflows following best practices in reproducible research.
- Present findings through reports, visualizations, and publications
- Stay up to date with advances in bioinformatics tools and methods.

### NECESSARY SKILLS

#### REQUIRED

- PhD or master in bioinformatics, computational science or related fields.
- Proficiency in programming languages such as Python and R.
- Strong knowledge of bioinformatics best practices (version control with Git, workflow management (Snakemake, Nextflow), reproducible environments (Conda/Docker).
- Foundational knowledge in statistics, machine learning or neural network.
- Solid understanding of molecular biology and genomics.
- Capacity to work independently, be proactive, and adapt to a dynamic research environment.
- Excellent command of English (written and spoken).
-

## VALUABLE

- Experience in single-cell omics and/or image analysis.
- Background knowledge in immunology or hematology.
- Demonstrated ability to work in an interdisciplinary research environment.

\*A disability certificate of 33% or higher is a plus.

## EVALUATION (MAXIMUM OF 100 POINTS WITHOUT AN INTERVIEW AND 125 POINTS WITH AN INTERVIEW)

Only applications that meet the REQUIRED competencies in the offer shall be taken into account.

- **EXPERIENCE (0-60 POINTS)**
- **PROVEN LANGUAGE SKILLS (0-20 POINTS)**
- **OTHER DISTINCTIONS (0-10 POINTS)**
- **CERTIFICATE VERIFYING A MINIMUM DISABILITY OF 33% (0-10 POINTS)**
- **INTERVIEW (0-25 POINTS)**

## CONTRACTUAL CONDITIONS

- **TYPE OF CONTRACT (LEGAL REFERENCE):** Indefinite contract linked to Technical Scientific Activities.
- **WORK SCHEDULE:** Full-time
- **EXPECTED START DATE:** Early september 2026
- **ANNUAL GROSS SALARY:** 30.000€-37.000€ gross per year

The remuneration shall be based on the candidate's commitment and merit, as well as how suited they are for the role. The worker must comply with the operating rules set by the Biogipuzkoa Institute in terms of commitment, duties, working hours, leave entitlements, etc.

## COMPLETING THE REGISTRATION

Candidates **MUST** apply for the offer through the IIS Biogipuzkoa website job portal: ([www.biogipuzkoa.eus](http://www.biogipuzkoa.eus)). Do not submit documents in paper form. All documents must be submitted electronically via the website.

**BIOGIPUZKOA is committed to the principles of open, transparent and merit-based recruitment (OTM-R policy), in accordance with the requirements of the HRS4R seal established by the European Commission. As such, it takes responsibility for ensuring gender equality based on the actions set out in the current Gender Equality Plan.**

Once the evaluation and selection have been conducted, candidates may request information on their scores, as well as the score of the selected candidate.

For any questions/clarifications, please send an email to [rrhh@bio-gipuzkoa.eus](mailto:rrhh@bio-gipuzkoa.eus)

**CV submission deadline: 06/25/2026**

## BIOINFORMÁTICO/A – QUANTITATIVE IMMUNO-HEMATOLOGY

### DESCRIPCIÓN DEL PUESTO (BREVE RESUMEN DEL PUESTO Y UBICACIÓN)

Está disponible un puesto de bioinformático para desarrollar, implementar y mantener la infraestructura computacional y los flujos de análisis para imágenes de células vivas, codificación por barras y datos ómicos de células individuales. El candidato seleccionado aplicará enfoques estadísticos y de aprendizaje automático para analizar conjuntos de datos biológicos complejos, trabajando en estrecha colaboración con científicos experimentales para diseñar estrategias de análisis e interpretar resultados. Buscamos especialmente a alguien que aporte una profunda experiencia en computación y modelado, más allá del análisis bioinformático estándar, y que esté profundamente motivado por el avance del conocimiento biológico.

La investigación se llevará a cabo dentro del equipo recién establecido de Inmuno-Hematopoyesis Cuantitativa en Biogipuzkoa. El equipo investiga la hematopoyesis murina y humana utilizando una combinación de enfoques experimentales y matemáticos, incluidos el seguimiento de linajes y el rastreo de la división celular para estudiar la diferenciación de células madre y progenitoras individuales. El grupo integra investigación de laboratorio y computacional, proporcionando un entorno altamente interdisciplinario. El candidato trabajará estrechamente con los experimentadores y tendrá la oportunidad de contribuir o colaborar en actividades de laboratorio si es relevante para el proyecto. La posición forma parte de la subvención ERC POC VisioWell.

### FUNCIONES Y RESPONSABILIDADES

- Contribuir a la configuración y mantenimiento de la infraestructura computacional del laboratorio, asegurando un almacenamiento eficiente de datos, procesamiento y reproducibilidad de los análisis.
- Desarrollar, implementar y mantener pipelines de bioinformática para el análisis de datos de imágenes y de secuenciación de alto rendimiento, incluyendo imágenes de células vivas, codificación por barras y datos de ómicas de células individuales.
- Analizar conjuntos de datos biológicos generados tanto internamente como a través de colaboraciones.
- Aplicar métodos estadísticos y de aprendizaje automático a conjuntos de datos biológicos.
- Colaborar estrechamente con científicos experimentales para interpretar datos, definir estrategias de análisis y apoyar proyectos científicos.
- Asegurar la documentación adecuada, el control de versiones y la compartición de código y flujos de trabajo siguiendo las mejores prácticas en investigación reproducible.
- Presentar hallazgos a través de informes, visualizaciones y publicaciones.
- Mantenerse actualizado con los avances en herramientas y métodos de bioinformática.

### COMPETENCIAS NECESARIAS

#### REQUERIDAS :

- Doctorado o maestría en bioinformática, ciencia computacional o campos relacionados.
- Dominio de lenguajes de programación como Python y R.
- Sólidos conocimientos de las mejores prácticas en bioinformática (control de versiones con Git, gestión de flujos de trabajo (Snakemake, Nextflow), entornos reproducibles (Conda/Docker)).

- Conocimiento fundamental en estadística, aprendizaje automático o redes neuronales.
- Sólido entendimiento de biología molecular y genómica.
- Capacidad para trabajar de manera independiente, ser proactivo y adaptarse a un entorno de investigación dinámico.
- Excelente dominio del inglés (escrito y hablado).

#### VALORABLES:

- Experiencia en ómicas de células individuales y/o análisis de imágenes.
- Conocimientos básicos en inmunología o hematología.
- Capacidad demostrada para trabajar en un entorno de investigación interdisciplinario.

\*Se valorará la posesión del certificado de discapacidad igual o superior al 33%.

### EVALUACIÓN (MÁX 100 PUNTOS SIN ENTREVISTA-125 PUNTOS CON ENTREVISTA)

Se evaluarán las candidaturas que cumplan con las competencias REQUERIDAS en la oferta.

- **EXPERIENCIA (0-60 PTOS)**
- **CONOCIMIENTOS (ACREDITADOS) IDIOMAS (0-20 PTOS)**
- **OTROS MÉRITOS (0-10 PTOS)**
- **CERTIFICADO DE DISCAPACIDAD MÍNIMO 33% (0-10 PTOS)**
- **ENTREVISTA (0-25 PTOS)**

### CONDICIONES CONTRACTUALES

- **TIPO DE CONTRATO (REF LEY)** Contrato indefinido vinculado a Actividades Científico Técnicas.
- **TIPO DE JORNADA:** Completa
- **FECHA PREVISTA DE ALTA:** Principios de Septiembre 2026
- **ANNUAL GROSS SALARY:** 30.000€-37.000€ brutos anuales.

La retribución se atribuirá en función de la dedicación y valía de la persona candidata y su idoneidad para el puesto ofertado. La persona trabajadora deberá ajustarse a las normas propias de funcionamiento del Instituto Biogipuzkoa, en cuanto a la dedicación, función que debe desempeñar, horario, permisos, etc.

### FORMALIZACIÓN INSCRIPCIÓN

**IMPRESINDIBLE** aplicar a la oferta a través del portal de empleo de la Web del IIS Biogipuzkoa ([www.bio-gipuzkoa.eus](http://www.bio-gipuzkoa.eus)). No se presentará documentación en papel. Toda la documentación se presentará telemáticamente utilizando esta página Web.

***BIOGIPUZKOA se compromete con los principios de reclutamiento y transparencia basados en méritos (Política OTM-R), de acuerdo con los requisitos del Sello HRS4R establecido por la Comisión Europea. Asimismo, ha adquirido la responsabilidad de garantizar la igualdad de mujeres y hombres a través de las acciones establecidas en el vigente Plan de Igualdad.***

*Una vez realizada la evaluación y selección, las personas candidatas podrán solicitar información sobre sus puntuaciones, así como la puntuación de la persona candidata seleccionada.*

Para cualquier cuestión/aclaración puede contactar a través del e-mail [rrhh@bio-gipuzkoa.eus](mailto:rrhh@bio-gipuzkoa.eus)

**Fecha límite recepción de CV: 25/06/2026**